

代谢组学原始数据上传方法

MetaboLights 是第一个通用的、开放的存储代谢组学的数据库，是代谢组学实验和衍生物信息的数据库。该数据库包含了不同物种、不同技术的数据，涵盖了代谢物结构、参考光谱、生物学作用、位置和浓度，以及代谢实验数据。MetaboLights 是较多核心期刊推荐的代谢组学数据库。

下面简单介绍代谢组学原始数据上传到 MetaboLights 的操作方法：

通过地址：<https://www.ebi.ac.uk/metabolights/>

进行 MetaboLights 账号注册。

账号注册完成后登录 MetaboLights 的主界面，点击 Login 进入登录页面（如图 1），输入账号和密码点击 Log In 登录（如图 2）。



图 1

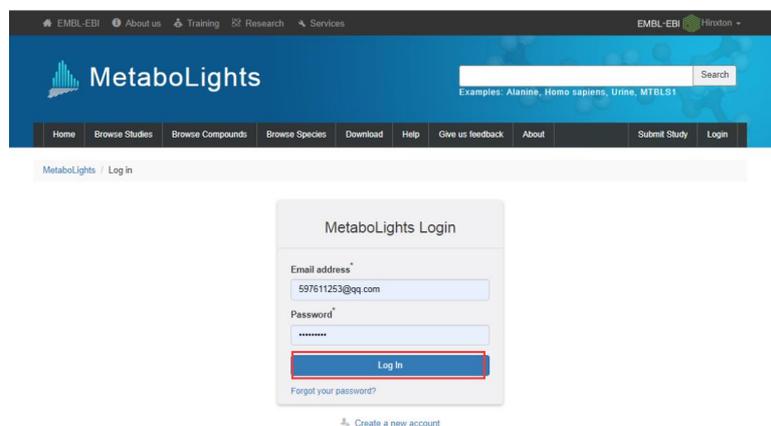


图 2

首先点击 Submit Study (如图 3), 该界面显示两个模块选项: Submit a new study、Update an existing study, 如果我们是首次提交, 点击左侧模块即可 (如图 4)。

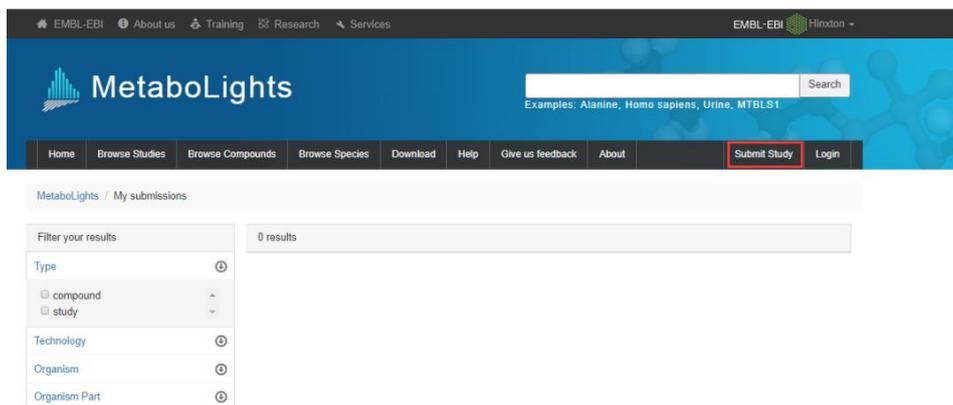


图 3

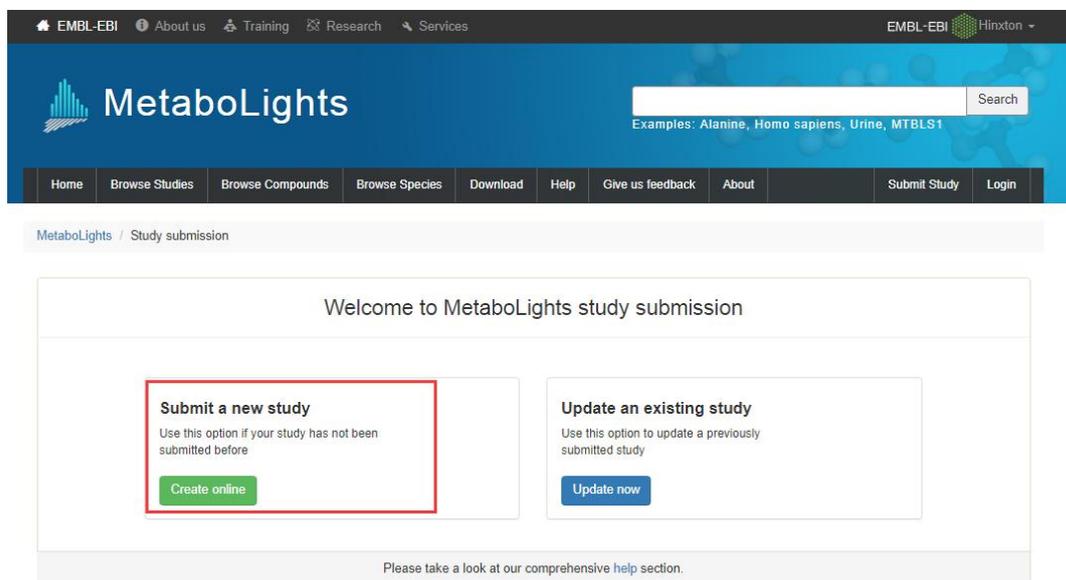


图 4

点击 Create New Study → Let's get started (如图 5-6), 进入上传数据界面, 该界面包括 2 种上传方式: 现在上传原始数据、稍后上传原始数据, 我们可选择现在上传原始数据, 点击 next (如图 7)。

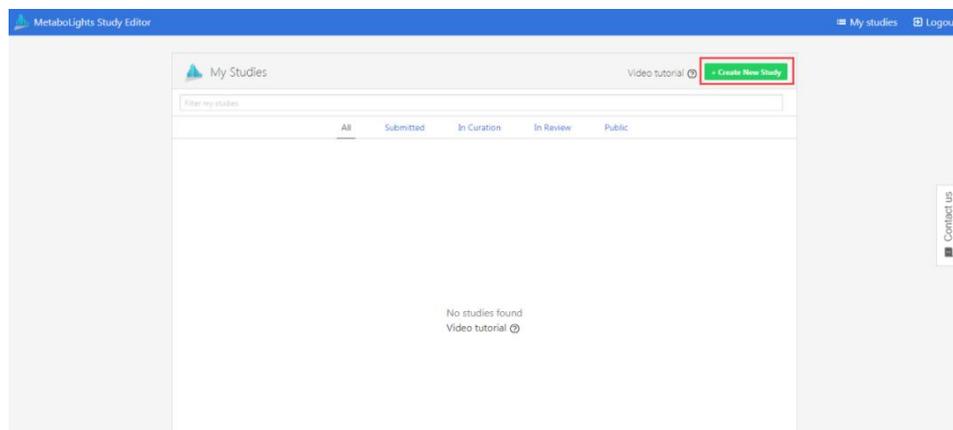


图 5

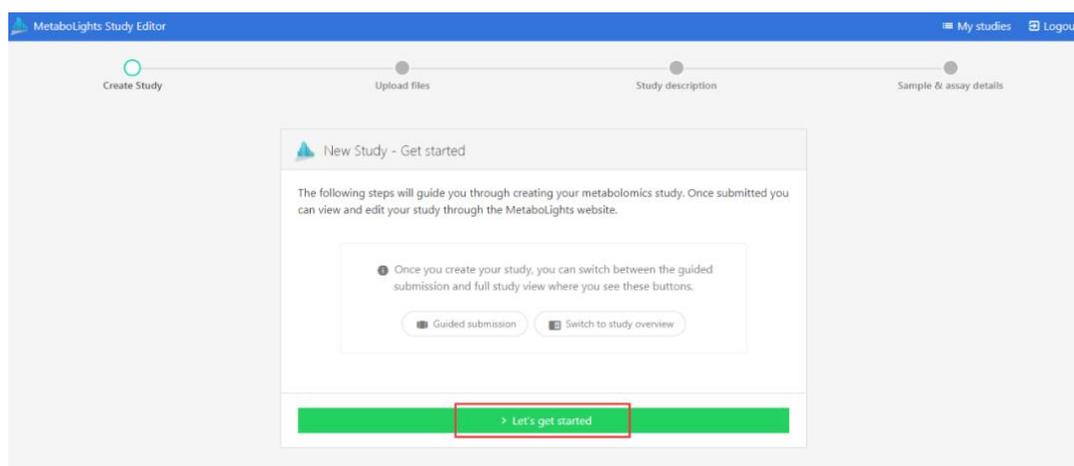


图 6

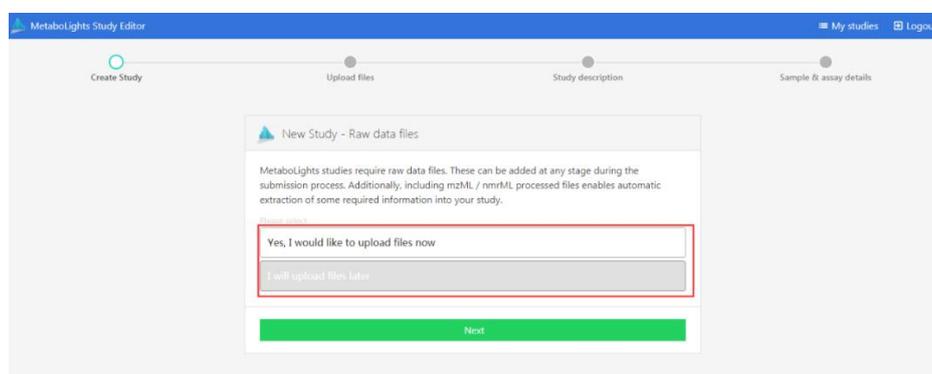


图 7

系统会自动为该项目设置编号 MTBLS2000 和网址链接（如图 8），点击 next 进入下一页面，该页面有两种数据上传方式：Aspera upload、Private FTP upload（如图 9），我们可选择 Aspera upload，据说 Aspera 上传能达到满速。

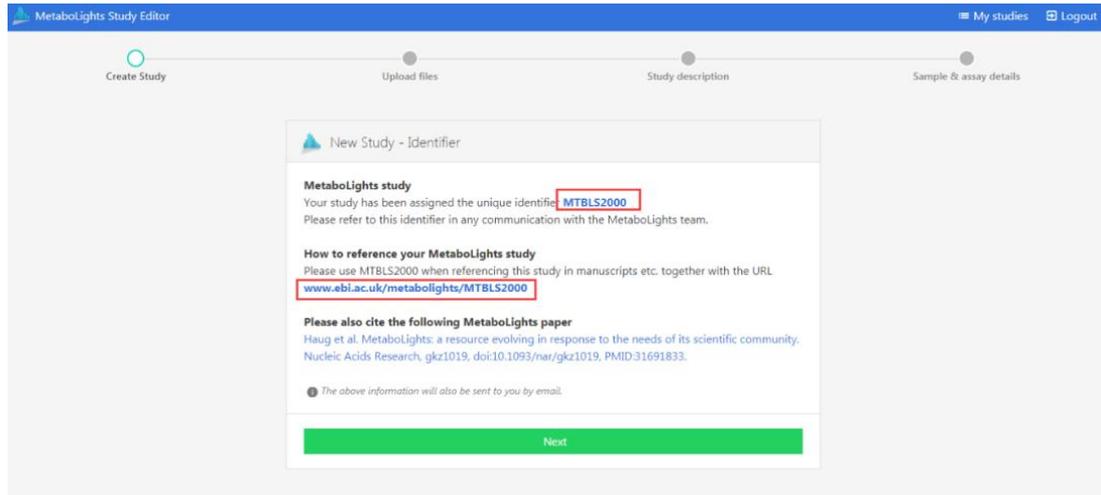


图 8

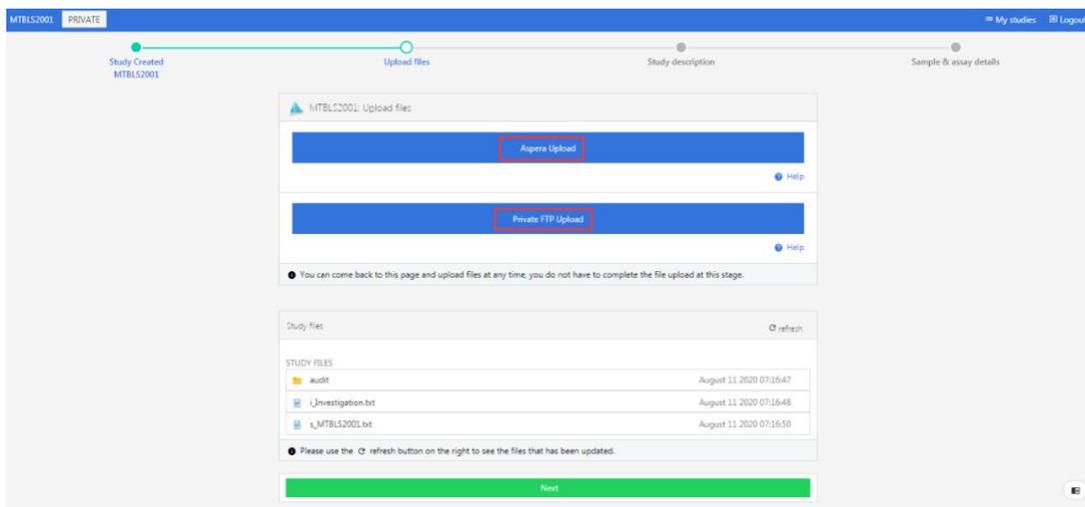


图 9

点击 Aspera upload 后，系统会弹出窗口，我们选择 upload files（如图 10），选择需要上传的文件即可。然后点击 refresh 进行刷新（如图 11），会显示一条上传的数据文件，即上传成功。

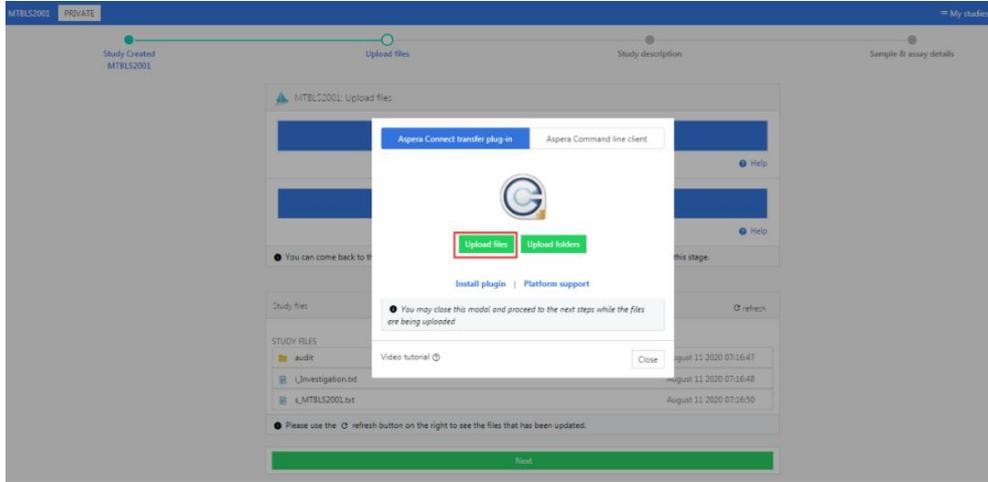


图 10

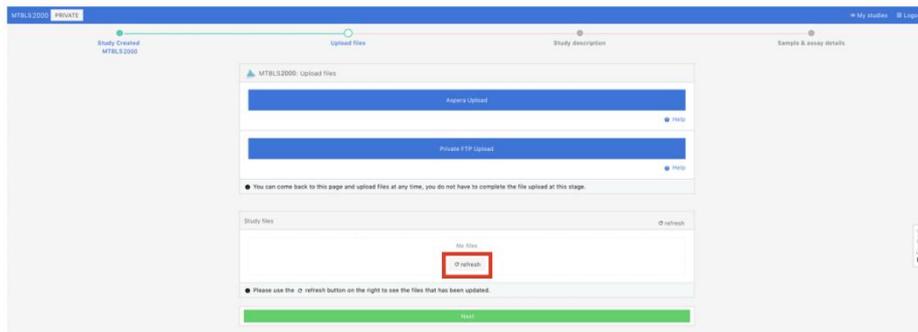


图 11